



Красным шрифтом выделены резидентные микроорганизмы

Синим шрифтом выделены транзиторные микроорганизмы

Значение "0" показывает, что содержание данного м.о. ≤ 10<sup>4</sup> кл/г

Микробиота человека - это совокупность различных видов (не только бактерии, но и микроскопические грибы и вирусы) микроорганизмов, колонизирующих поверхности и полости тела человека.

Показатели нормы, или референтных значений, определены путем статистической обработки на основании массового скрининга в соответствии с патентом на изобретение RU2715223, 02.12.2019.

\* Доверительный интервал - это пределы допустимых отклонений среднего арифметического показателя, т.е. интервал нормы. Избыток или недостаток микроорганизмов находится за пределами доверительного интервала.

\*\* Отчет по вирусной нагрузке для удобства оценки ведется в условных компьютерных единицах и обозначает не количество вирусных тел, а маркерную (химическую) нагрузку.

Соотношения результатов по сгруппированным м.о.			
Микроорганизмы	нагрузка	норма	от ОБН
Резидентные	7508	21225	99%
Транзиторные	83	33	1%
В норме не встречаются	0	0	0%
Из них			
Анаэробные бактерии	6944	19844	91%
Аэробные бактерии	648	1328	9%
Грамотрицательные бактерии	21	97	0%
Грамположительные бактерии	7571	21159	100%
Firmicutes	5098	13041	67%
Actinobacteria	2473	8118	33%
Bacteroidia, Flavobacteriia	0	35	0%
Proteobacteria	21	63	0%
Общая бактериальная нагрузка (ОБН)	7592	21257	
Микроскопические грибы	1369	2332	
Вирусы	458	1444	

Экспресс-таблица нормофлоры		
Микроорганизм	Проба	Норма
Lactobacillus spp	993	2378
Eubacterium spp	1094	6364
Bifidobacterium spp	403	3824
Propionibacterium freudenreichii	726	1868

Экспресс-таблица грамотрицательных бактерий		
Микроорганизм	Проба	Норма
Alcaligenes spp	21	60
Fusobacterium/Haemophilus	0	5
Prevotella spp	0	28
Bacteroides fragilis	0	1
Bacteroides hypermegas	0	0
Campylobacter mucosalis	0	0
Flavobacterium spp	0	0
Helicobacter pylori	0	3
Kingella spp	0	0
Acinetobacter spp	0	0
Porphyromonas spp	0	0
Prevotella ruminicola	0	1
Pseudomonas aeruginosa	0	0
сем. Enterobacteriaceae	0	0
Chlamidia trachomatis	0	0
Stenotrophomonas maltophilia	0	0
Streptomyces farmamarensis	0	0